




NGS kity pro analýzu KRAS, NRAS, BRAF, EGFR, IDH 1/2 a POLE

Představujeme diagnostické soupravy s vynikajícími analytickými parametry a extrémně rychlým a jednoduchým zpracováním.

Výhody fastGEN technologie

- jednoduchá, vysoce citlivá a specifická technologie
- vynikající rychlost (< 30 min. na přípravu knihovny)
- unikátní systém pro jedнокrokovou přípravu knihovny NGS
- rovnoměrné pokrytí pro různé amplikony a různé vzorky
- vstupním materiálem může být DNA izolovaná z nádorů, či cirkulující nádorová DNA izolovaná z plazmy (postup je vhodný i pro izoláty z tkáně fragmentovanou DNA z FFPE bločků)
- robustnost dosažená použitím krátkých amplikonů získaných pomocí jediné polymerázové řetězové reakce se speciálními značenými hybridními primery

Katalogové číslo	Produkt	Gen	Detail	Využití	
RDNGS0001	fastGEN Solid Cancer kit	NRAS KRAS BRAF	pro rychlou přípravu sekvenační knihovny potřebné pro genotypizaci genů KRAS, NRAS (kodony 12, 13, 59, 61, 117, 146) a BRAF (kodon 600)	pro indikaci správné terapie metastazujících kolo-lorektálních nádorů nebo u pacientů s melanomem	
RDNGS0002	fastGEN Lung Cancer kit	EGFR	pro rychlou přípravu sekvenační knihovny potřebné pro genotypizaci genu EGFR (exony 18, 19, 20, 21)	pro indikaci správné terapie metastazujících plicních nádorů	
RDNGS0003	fastGEN Brain Cancer kit	IDH 1/2	pro rychlou přípravu sekvenační knihovny potřebné pro genotypizaci genu IDH 1 a IDH 2 (kodony 132 a 172)	pro prognózu a stratiifikace mozkových nádorů	
RDNGS0004	fastGen POLE	POLE	pro rychlou přípravu sekvenační knihovny potřebné pro genotypizaci genu POLE (exony 9,11, 13 a 14)	pro indikaci správné terapie u karcinomů endometria	

Každá souprava obsahuje kompletní Master Mix k přímému použití včetně 16 různých indexů a sekvenačních primerů.

Workflow

Jednoduchost metody spočívá v přidání izolované DNA ku konkrétnímu Master Mixu a vložení do Real-Time termocyklieru. Postup je navržen tak, aby bylo možné zpracovat paralelně vzorky pro RAS geny,

pro EGFR, IDH 1/2 geny a POLE následně je sekvenovat v jednom sekvenačním běhu na přístrojích od společnosti Illumina, Inc.

Schéma postupu genotypizace



Software GENOVESA modul fastGEN jako součást řešení

Jedná se cloudový all-in-one systém pro analýzu hrubých dat ze sekvenátorů (FASTQ files) s technickou a aplikační podporou v češtině.

Software umožňuje:

- pokročilou kontrolu kvality sekvenačních dat
- automatické upozornění na nízko pokryté regiony
- jednoduchou filtraci relevantních variant
- měsíční update anotačních databází
- úpravu na míru
- ukládání patientských dat a variant do interní databáze
- vygenerování reportu na jedno kliknutí

VÝROBCE:



**BioVendor –
Research & Diagnostic Products**
www.biovendor.com

DISTRIBUTOR:



**BioVendor –
Laboratorní medicína a.s.**
www.biovendor.cz

Kontakty

Mgr. Iveta Tóthová, Ph.D.
+420 724 873 015
tothova@biovendor-mdx.com