

NGS kity pro analýzu KRAS, NRAS, BRAF, EGFR a IDH 1/2 genů

Představujeme diagnostické soupravy s vynikajícími analytickými parametry a extrémně rychlým a jednoduchým zpracováním.

Výhody fastGEN technologie

- jednoduchá, vysoce citlivá a specifická technologie
- unikátní systém pro jednokrokovou přípravu knihovny NGS
- vstupním materiálem může být DNA izolovaná z nádorů, či cirkulující nádorová DNA izolovaná z plazmy (postup je vhodný i pro izoláty z tkáně s fragmentovanou DNA z FFPE bločků)
- vynikající rychlost (< 30 min. na přípravu knihovny)
- rovnoměrné pokrytí pro různé amplikony a různé vzorky
- robustnost dosažená použitím krátkých ampliconů získaných pomocí jediné polymerázové řetězové reakce se speciálními značenými hybridními primery

<u>Katalogové číslo</u>	<u>Produkt</u>	<u>Gen</u>	<u>Detail</u>	<u>Využití</u>
RDNGS0001	fastGEN Solid Cancer kit	<i>NRAS</i> <i>KRAS</i> <i>BRAF</i>	pro rychlou přípravu sekvenační knihovny potřebné pro genotypizaci genů <i>KRAS</i> , <i>NRAS</i> (kodony 12, 13, 59, 61, 117, 146) a <i>BRAF</i> (kodon 600)	pro indikaci správné terapie metastazujících kolorektálních nádorů nebo u pacientů s melanomem
RDNGS0002	fastGEN Lung Cancer kit	<i>EGFR</i>	pro rychlou přípravu sekvenační knihovny potřebné pro genotypizaci genu <i>EGFR</i> (exony 18, 19, 20, 21)	pro indikaci správné terapie metastazujících plicních nádorů
RDNGS0003	fastGEN Brain Cancer kit	<i>IDH 1/2</i>	pro rychlou přípravu sekvenační knihovny potřebné pro genotypizaci genu <i>IDH 1</i> a <i>IDH 2</i> (kodony 132 a 172)	pro prognózu a stratifikace mozkových nádorů

Každá souprava obsahuje kompletní Master Mix k přímému použití včetně 16 různých indexů, primerů read1, read2 a sekvenačních primerů.

Workflow

Jednoduchost metody spočívá v přidání izolované DNA ku konkrétnímu Master Mixu a vložení do Real-Time termocyklieru. Postup je navržen tak, aby bylo možné zpracovat paralelně vzorky pro RAS geny,

pro *EGFR* a také pro *IDH 1/2* geny a následně je sekvenovat v jednom sekvenačním běhu na přístrojích od společnosti Illumina, Inc.

Schéma postupu genotypizace



Software GENOVESA modul fastGEN jako součást řešení

Jedná se cloudový all-in-one systém pro analýzu hrubých dat ze sekvenátorů (FASTQ files) s technickou a aplikační podporou v češtině.

Software umožňuje:

- pokročilou kontrolu kvality sekvenačních dat
- automatické upozornění na nízko pokryté regiony
- jednoduchou filtraci relevantních variant
- měsíční update anotačních databází
- úpravu na míru
- ukládání patientských dat a variant do interní databáze
- vygenerování reportu na jedno kliknutí

VÝROBCE:



DISTRIBUTOR:



**BioVendor –
Laboratorní medicína a.s.**
www.biovendor.cz

Kontakty

Mgr. Kateřina Pehlíková
+420 777 226 043
pehlikova@biovendor.com

Mgr. Jitka Novotná, PhD.
+420 702 247 191
jitka.novotna@biovendor.com